



Scipio → Protocollair

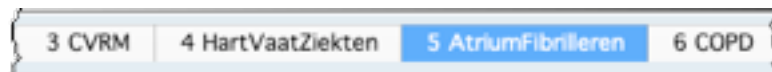
(versie 2025-05, auteurs JN/JL/PtK)

Protocollair werken

Protocollair werken is gestructureerd en volgens vaste richtlijnen zorg bieden aan patiënten met bepaalde aandoeningen met als doel de kwaliteit van die zorg te verhogen.

Protocollair werken is op dit moment in Scipio mogelijk bij patiënten met astma, emfyseem/COPD, diabetes mellitus, tabaksverslaving, ouderenzorg en hartfalen. Ook is er een scherm voor protocollair werken in het kader van CVRM (Cardio Vasculair Risico Management). De Ouderen module is deels geïmplementeerd. Er kan gewerkt worden met standaardrichtlijnen. Het is ook mogelijk op basis van deze standaardrichtlijnen zelf protocollen op te stellen. In deze protocollen of clusters legt u per aandoening vast wat in welke fase van de behandeling gedaan wordt. Bij het werken met deze modules worden alleen de eigen clusters getoond.

Met ingang van versie 6.1.0 zijn de tabbladen **AtriumFibrilleren** en **HartVaatZiekten** toegevoegd aan het hoofdscherm Protocollair, zodat u uw eigen clusters hiervoor kunt samenstellen:



Binnen ketenzorggroepen worden vaak protocollen samengesteld, die door alle praktijken gevolgd moeten worden. Dit kan ook op regionaal niveau voorkomen. Voor dit doeleinde is een import- en export-knop aanwezig waarmee de samengestelde clusters makkelijk uitgewisseld kunnen worden.

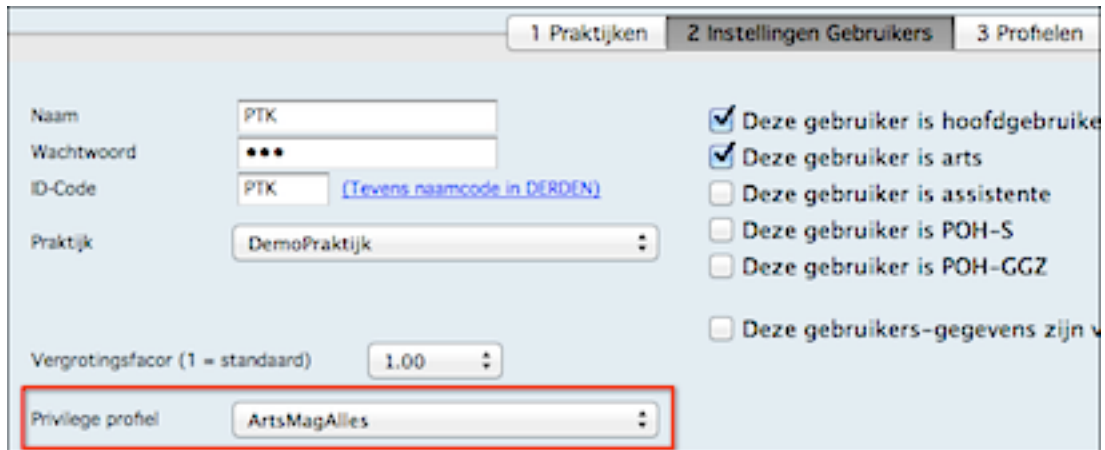
Uitleg over het scherm om clusters samen te stellen

In het protocolscherm ziet u 7 (m.i.v. versie 6.1.0 zijn dit er 9) vaste tabbladen en twee extra tabbladen waarmee u een keuze maakt voor de patiëntgegevens, de Diabetes module, de CVRM module, de HartVaatZiekten module (in versie 6.1.0), de AtriumFibrilleren module (in versie 6.1.0), de COPD module, de Astma module, de Tabak module, de Ouderen module of één van de eigen ingerichte modules op een extra tabblad. Op elk van deze tabbladen kunt u uw eigen clusters samenstellen.

Controle profiel-rechten

Voorwaarde is wel dat uw Privilege profiel over het recht beschikt om de zogenaamde protocollaire clusters te wijzigen. U controleert dat als volgt:

1. Selecteer het menu **Archief** → **Gebruikers** → **tabblad Instellingen Gebruikers**.
Standaard ziet u uw eigen instellingen (de instellingen van de ingelogde gebruiker).
2. Noteer de naam van uw Privilege profiel.



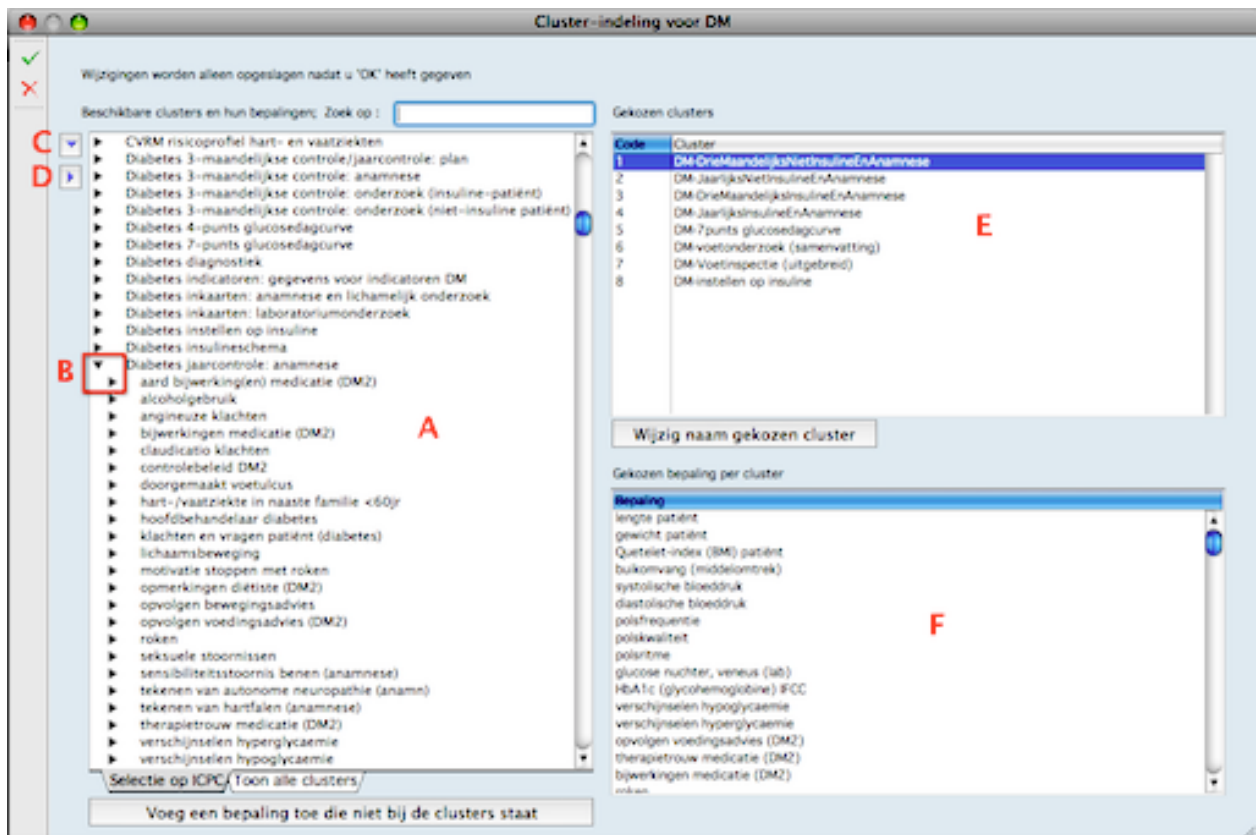
3. Selecteer het menu **tabblad Profielen**.
4. Open de overzichtslIJst aan de linkerkant via de knop .
5. Selecteer het profiel dat u in stap 2 heeft genoteerd.
6. Selecteer het tabblad (rechten-categorie) **Algemeen**.
7. Controleer of de optie **Wijzigen van indeling van clusters voor protocollair werken** aan staat.

☒ Wijzigen van indeling van clusters voor protocollair werken
8. Staat bovengenoemde optie uit, klik dan op de Wijzig-knop  en zet de optie alsnog aan. Sla deze wijziging op door middel van de OK-knop .
9. Sluit tenslotte het Instellingen-scherm.

Het Clusterscherm

1. Selecteer het menu **Scipio** → **Protocollair**.
2. Klik op het **tabblad Diabetes**.
3. Klik op de knop **stel uw eigen protocollen samen voor DM**.

stel uw eigen protocollen samen voor DM
4. Het volgende scherm verschijnt:



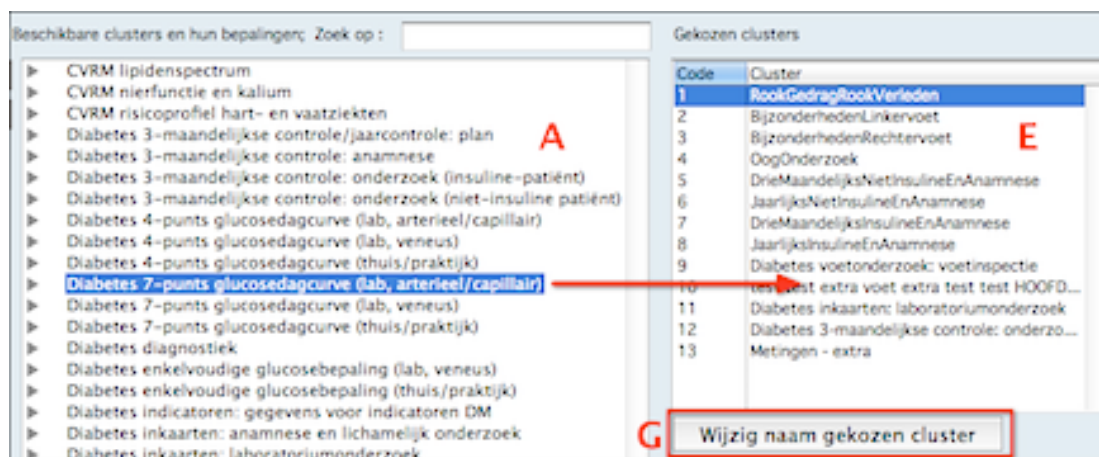
5. Aan de linker kant verschijnt een lijst met beschikbare clusters en de bijbehorende bepalingen. (A)
6. De inhoud van de clusters is zichtbaar te maken door op het kleine grijze driehoekje ► voor een bepaalde cluster te klikken, zodat het driehoekje naar beneden wijst ▼. (B)
7. **Alle** bepalingen voor de getoonde clusters kunnen zichtbaar gemaakt worden door op de bovenste knop met het **blauwe** driehoekje ▼ te klikken dat linksboven naast de lijst met cluster staat. (C)
8. Alle clusters kunnen weer worden ingeklapt door te klikken op de onderste knop met het **blauwe** driehoekje ► dat linksboven naast de lijst met de clusters staat. (D)
9. Rechts bovenin het venster verschijnt een lijst met reeds eerder aangemaakte clusters. Deze clusters kunnen ook standaard zijn ingesteld door Sanday op grond van de Bepalingenclusters van het NHG. (E)
Indien u dit wenst, kunt u de inhoud van de clusters aanpassen door bepalingen toe te voegen aan en/of te verwijderen uit een cluster.
De in dit vak vermeldde clusters zijn in het protocollaire scherm zichtbaar in de keuzelijst met het opschrift **[Maak een keuze]** **Maak een keuze**.
10. Rechts onderin het venster zijn de afzonderlijke bepalingen te zien die in de clusters zijn opgenomen. (F)

Aanmaken of wissen van een nieuwe cluster

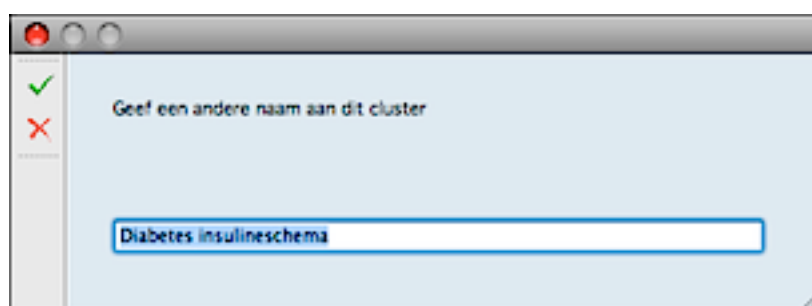
1. Kies uit de lijst van beschikbare clusters aan de linkerkant een cluster die als uitgangspunt kan

gaan dienen. (A)

2. Sleep deze cluster naar het vak rechts bovenin het venster. (E).

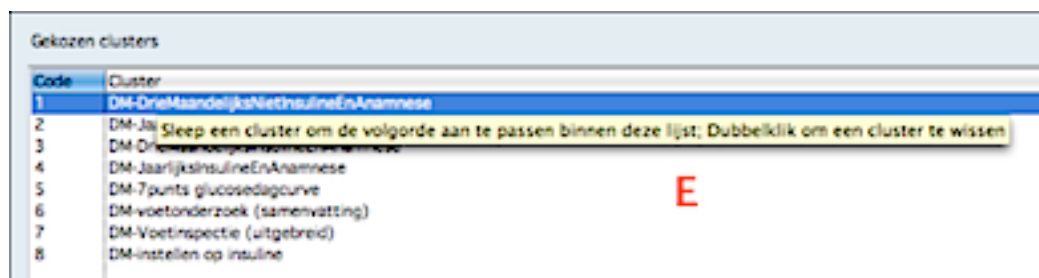


3. Klik op de knop [Wijzig naam gekozen cluster]. (G)
4. Het volgende dialoogvenster verschijnt:

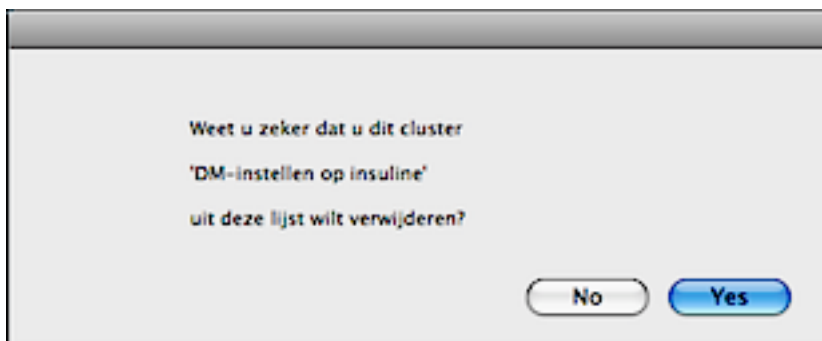


Verander de naam, bijvoorbeeld in *DM-instellen op insuline*.

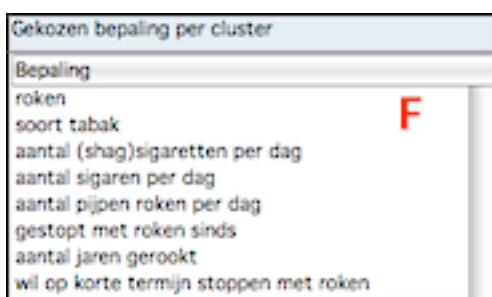
5. De **volgorde van de clusters** kan worden veranderd in het vak **Gekozen clusters** (E), rechts bovenin het venster, door de betreffende cluster(s) naar een nieuwe positie te slepen. Een gehele cluster kan uit deze lijst **verwijdert** worden door middel van een **dubbelklik** op de betreffende cluster.



6. Na de dubbelklik wordt u nog om bevestiging gevraagd:



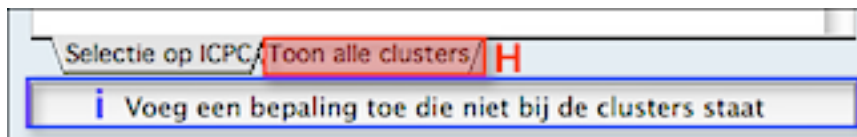
7. Wanneer rechtsboven in het vak **Gekozen clusters** (E) op een cluster wordt geklikt, zijn in het vak daaronder, **Gekozen bepaling per cluster** (F), de bepalingen te zien die (al) in deze cluster zijn opgenomen:



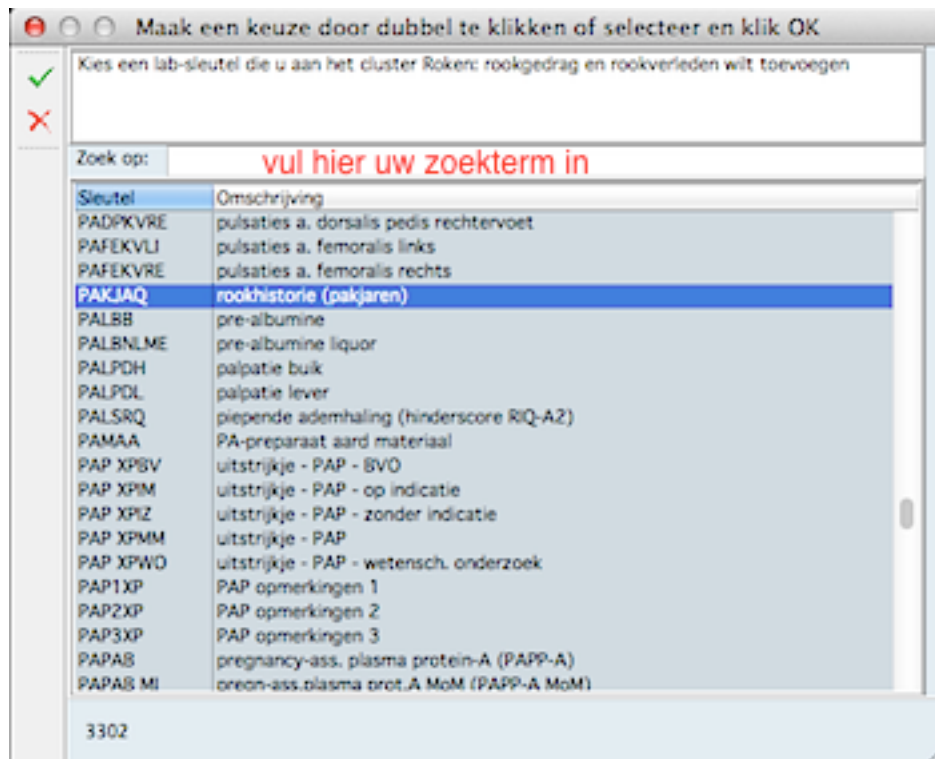
8. Vanuit het vak **Beschikbare clusters en hun bepalingen** (A) kunnen hele clusters of losse bepalingen uit clusters naar het vak **Gekozen bepaling per cluster** (F), rechts onderin het venster, worden gesleept.
9. Is een specifieke laboratoriumbepaling in eerste instantie niet zichtbaar, of niet eenvoudig te vinden, dan kan als volgt worden gehandeld:
- Probeer de bepaling te zoeken via het tekstvak **[Zoek op:]** bovenaan de lijst met beschikbare clusters.
Selecteer dit zoek-vak en start met typen; het zoeken start onmiddellijk zodra u het eerste karakter (letter, cijfer of teken) intypt.



- Wordt de bepaling niet gevonden, dan kan onderaan de lijst met **Beschikbare clusters** geklikt worden op de **tab Toon alle clusters**. (H)



- Als een bepaling niet tot een cluster behoort, kan via de onderste knop **[Voeg een bepaling toe die niet bij de clusters staat]** gezocht worden naar alle laboratoriumbepalingen die standaard in de NHG Lab-label staan. (i)



Er kan gezocht worden door achter het label **<Zoek op:>** een deel van de naam in te voeren.

1. Selecteer dit zoek-vak en start met typen; het zoeken start onmiddellijk zodra u het eerste karakter (letter, cijfer of teken) intypt.
2. Selecteer vervolgens in de resultatenlijst de gewenste labbepaling.
3. Klik op de OK-knop .

De labbepaling wordt direct aan de lijst **Gekozen bepaling per cluster (F)** toegevoegd.

10. De **volgorde** van de bepalingen in de lijst **Gekozen bepaling per cluster (F)** kan worden gewijzigd door de betreffende bepaling(en) naar een nieuwe positie te slepen.

De nieuwe volgorde is de volgorde waarin straks de bepalingen in het *eigen* protocollaire scherm worden getoond.

11. Bepalingen die overbodig of ongewenst zijn, kunnen worden gewist door te dubbelklikken op het te verwijderen item in de lijst **Gekozen bepaling per cluster (F)**. Na de dubbelklik wordt u nog om een bevestiging van uw actie gevraagd.
12. Klik op **Yes** om het wissen te bevestigen.
13. Klik op de OK-knop  om de wijzigingen op te slaan.

De clusters voor de andere protocollen maakt of past u op dezelfde wijze aan als hierboven beschreven. U selecteert het betreffende tabblad en klikt op één van de knoppen:

[stel uw eigen protocollen samen voor DM]

[stel uw eigen protocollen samen voor CVRM]

[stel uw eigen protocollen samen voor HVZ] (in versie 6.1.0)

[stel uw eigen protocollen samen voor ATF] (in versie 6.1.0)

[stel uw eigen protocollen samen voor COPD]

[stel uw eigen protocollen samen voor ASTMA]

[stel uw eigen protocollen samen voor TABAK]

[stel uw eigen protocollen samen voor OUDEREN]

[stel uw eigen cluster samen voor 10 Extra1]

[stel uw eigen cluster samen voor 11 Extra2]

Exporteren en Importeren van eigen samengestelde clusters

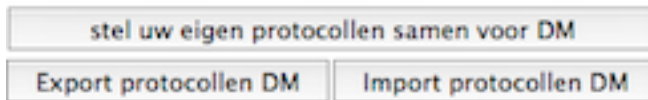
Om op eenvoudige wijze een eigen samengestelde cluster met andere Scipio-praktijken uit te wisselen kan men gebruik maken van de Export- en Import-functie onderin het venster van het betreffende protocol. Maakt men deel uit van een ketenzorggroep of wil men op regionaal niveau dezelfde protocollaire items registreren, dan kan men dit voor alle Scipio-praktijken snel realiseren met behulp van deze functies.

1. Selecteer het menu **Scipio** → **Protocollair**.
2. Klik op de tab van de gewenste module.
3. Klik onderin het venster op de knop **[stel uw eigen protocollen samen voor]** en stel de clusters samen naar de wensen van de organisatie.

The screenshot shows the 'DiabetesModule' tab in the Scipio Protocollair interface. The top navigation bar includes tabs for Patient, DiabetesModule, CurvModule, CopdModule, AstmaModule, and TabakModule. The main area displays patient data and a list of protocols. At the bottom, there is a section for creating or managing clusters, with buttons for 'stel uw eigen protocollen samen voor DM', 'Export protocollen DM', and 'Import protocollen DM'. A red circle highlights these buttons, and a blue arrow points to the 'stel uw eigen protocollen samen voor DM' button.

4. Sla de wijzigingen op.

5. Klik op de knop **[Export protocollen]**



Let op: deze export-actie hoeft slechts door één deelnemende Scipio-praktijk uit dezelfde ketenzorggroep gedaan te worden. Alle andere Scipio-praktijken

uit dezelfde zorggroep importeren alleen deze bestanden.

6. Een selectie-scherm verschijnt waarin u een keuze voor de verschillende, te exporteren, clusters kunt maken.
7. Maak uw keuze en sluit uw actie af door middel van de OK-knop .
8. Kies een map uit waarin u het export-bestand wilt opslaan en klik daarna op de knop **[Selecteren]**.

Afhankelijk van de gekozen module wordt er één van de volgende tekstbestanden weggeschreven in de gekozen map:

Naam Export-bestand	Bijbehorende Module/Protocol
ExportProtSleutelsT90.txt	DiabetesModule
ExportProtSleutelsR95.txt	CopdModule
ExportProtSleutelsR96.txt	AstmaModule
ExportProtSleutelsCvrm.txt	CvrmModule
ExportProtSleutelsP17.txt	TabakModule
ExportProtSleutelsHVZ.txt	HartVaatziekten (versie 6.1.0 en hoger)
ExportProtSleutelsATF.txt	AtriumFibrilleren (versie 6.1.0 en hoger)
ExportProtSleutelsOUD.txt	Ouderen

9. Comprimeer de weggeschreven bestanden tot een zogenaamd zip-bestand en verzendt dit bestand per e-mail naar de deelnemende praktijken in de zorggroep.

De ontvangende praktijken **importeren** vervolgens de bestanden via onderstaande procedure.

10. Pak het ontvangen zip-bestand uit in een nieuw aangemaakte map op uw Bureaublad.
11. Selecteer in Scipio het menu **Scipio → Protocollair**.
12. Klik op de tab van de gewenste module.
13. Klik onderin het venster van de geselecteerde module op de knop **[Import protocollen]**
14. Selecteer het bestand waarvan de naam in de titelbalk van het dialoogvenster wordt aangegeven (zie ook het overzicht hierboven onder stap 6).
15. Klik vervolgens op de knop **Openen**.
16. Een selectie-scherm verschijnt waarin u een keuze voor de verschillende, te importeren, clusters kunt maken.
17. Maak uw keuze en sluit uw actie af door middel van de OK-knop .
18. Indien in uw eigen clusters al een cluster met dezelfde naam als die uit het import-bestand

voorkomt, signaleert Scipio dit en krijgt u de keuze om de bestaande cluster al of niet te laten overschrijven.



Als u voor **Nee** kiest, wordt de betreffende cluster niet geïmporteerd en zult u eerst uw eigen cluster moeten hernoemen om deze te behouden en de import-cluster toe te kunnen voegen. Het wijzigen van de eigen clusternaam doet u door via de knop **[stel uw eigen protocollen samen voor]** de betreffende eigen cluster te selecteren en met behulp van de knop **[Wijzig naam gekozen cluster]** (G) de naam te wijzigen. Daarna zult u de import opnieuw moeten uitvoeren.